

НАУЧНОМ ВЕЋУ ДЕПАРТМАНА ЗА БИОЛОГИЈУ И ЕКОЛОГИЈУ ПРИРОДНО-МАТЕМАТИЧКИ ФАКУЛТЕТ УНИВЕРЗИТЕТ У НОВОМ САДУ

Извештај комисије за избор др Миломира Стефановића у звање виши научни сарадник

На седници Научног већа Департмана за биологију и екологију Природно-математичког факултета Универзитета у Новом Саду, одржаној 16.10.2025. године именовани смо у комисију за избор др Миломира Стефановића у научно звање виши научни сарадник.

Прегледом материјала који нам је достављен, као и на основу увида у његов научни рад и публикације, Научном већу Департмана за биологију и екологију Природно-математичког факултета Универзитета у Новом Саду подносимо овај извештај.

1. ПОДАЦИ О КАНДИДАТУ

Име и презиме: Миломир Стефановић

Година рођења: 1985. година

Радни статус: запослен

Назив институције у којој је запослен: Департман за биологију и екологију, Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду

Претходна запослења:

- истраживач-приправник на пројекту Министарства просвете, науке и технолошког развоја Републике Србије („Конзервациона стратегија за очување заштићених и строго заштићених врста у Србији – околике муве (Diptera: Syrphidae) као модел организми“ (ОИ173002), руководилац проф. др Анте Вујић)
- асистент за ужу научну област Генетика, Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду

Образовање

Основне академске студије: 2008-2013, Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду

Одбрањен мастер рад: 2014, Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду

Одбрањена докторска дисертација: 2020, Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду

Постојеће научно звање: научни сарадник

Научно звање које се тражи: виши научни сарадник

Датуми избора у стечена научна звања (укључујући и постојеће)

научни сарадник: 20.05.2021.

Област науке у којој се тражи звање: Природно-математичке науке

Грана науке у којој се тражи звање: Биологија

Научна дисциплина у којој се тражи звање: Генетика

Назив матичног научног одбора којем се захтев упућује: МНО за биологију

Стручна биографија

Др Миломир Стефановић је од 2023. године запослен у звању доцента за ужу научну област Генетика, на Природно-математичком факултету Универзитета у Новом Саду. На истом факултету завршио је основне и мастер академске студије биологије (модул молекуларна биологија), као и докторске студије биологије одбранивши докторску дисертацију под називом „Молекуларни диверзитет и генетички сигнали локалних адаптација врсте *Lepus europaeus* Pallas, 1778 у хетерогеним условима средине“. Током основних студија боравио је на двомесечном истраживачком боравку из области молекуларне неуробиологије на Лавал Универзитету у Квебеку, а током докторских студија у више од десет наврата боравио је на Универзитету ветеринарске медицине у Бечу, са циљем усавршавања на пољу анализе молекуларних података, као и изради експерименталног дела своје докторске дисертације. Учесник је и бројних семинара и школа за обраду и анализу геномских података у иностранству. У периоду од 2021. до 2023. године боравио је на постдокторском усавршавању у оквиру групе за еволуциону геномику Пољске Академије Наука, одељења у Гдањску. У току своје научне каријере, публиковао је 22 рада категорије M20, и 61 саопштење на домаћим и међународним скуповима. Учествовао је на осам националних пројеката, као и на четири међународна пројекта, а руководилац је једног пројекта у оквиру билатералне сарадње Републике Србије и Турске. Учествовао је као члан организационог одбора у организацији две међународне научне конференције. Укључен је у извођене наставе на основним, мастер и докторским студијама биологије на следећим предметима: Молекуларна генетика, Генетика популације, Геномика, Виши курс популационе генетике и Геномске методе у генетичким анализама. Члан је Друштва генетичара Србије, Друштва за молекуларну биологију и еволуцију (SMBE) и World Lagomorph Society. Говори енглески и шпански језик.

2. ПРЕГЛЕД НАУЧНЕ АКТИВНОСТИ

Др Миломир Стефановић реализује свој научно истраживачки рад у оквиру научне области Биологија, научне дисциплине Генетика, у области популационе и еволуционе генетике и геномике. Највећи део истраживања кандидата усмерен је на анализу молекуларних података у циљу разумевања еволуционих механизма који доприносе одржавању и обликовању генетичке варијабилности природних популација животиња. Истраживачки рад кандидата се може сажети у оквиру три основна истраживачка правца, који подразумевају проучавање хибридизације и њених еволуционих последица, истраживање варијабилности адаптивних молекуларних маркера, као и метагеномске анализе срединске ДНК.

1. Хибридизација и еволуционе последице

У оквиру овог истраживачког правца кандидат примењује технологије секвенцирања нових генерација ради проучавања степена интрогресије између дивљих врста и њихових припитомљених сродника. Анализом локалне анцестралности идентификују се региони хромозома који показују повећан или смањен ниво интрогресије од стране домаћих врста, што омогућава препознавање делова генома под утицајем природне или вештачке селекције. Посебна пажња посвећује се функционалној анализи гена присутних у тим регионима и њиховој улози у адаптивним процесима. Истраживања укључују и анализу генетичке варијабилности и структуре, демографске историје и

геномских сигнала селекције. Кандидат користи полиморфизме појединачних нуклеотида (SNP) широм генома ради разумевања образаца хибридизације и адаптивне интрогресије између врста унутар родова *Canis* и *Sus*.

2. Метагеномска анализа срединске ДНК

Део истраживања кандидата усмерен је на анализу срединске ДНК (еДНК) из узорака воде, ваздуха и земљишта применом таргетованог секвенцирања 16S рРНК и ITS региона ради таксономске класификације, процене диверзитета и структуре микробних заједница. Поред тога, кандидат спроводи метагеномске анализе целокупних генома склопљених из узорака воде и ваздуха, користећи технологије кратких и дугих читавања. У оквиру ових истраживања поред таксономске класификације, акценат је на функционалној анотацији гена путем KEGG, eggNOG и CAZy база, откривању гена отпорности на антибиотици, фунгициди и хербициди, као и анализу метаболичких и биохемијских путева у које су ти гени укључени. У оквиру овог истраживачког правца кандидат спроводи и анализе корелације структуре микробних заједница са физичко-хемијским параметрима животне средине ради разумевања фактора који обликују уочени диверзитет микробних заједница и њихове функције.

3. Варијабилност адаптивних молекуларних маркера

Део истраживања кандидата усмерен је на примену адаптивних молекуларних маркера, пре свега гена имунског система, ради разумевања улоге природне селекције у обликовању и одржавању адаптивне генетичке варијабилности у природним популацијама. Кроз анализу полиморфизама у генима укљученим у имунски одговор као што су *MHC* (Major Histocompatibility Complex), *TLR* (Toll-like receptors), као и других функционално значајних гена, истражује се утицај селективних притисака различитих патогена и фактора спољашње средине на структуру и динамику популација. Поређењем образаца варијабилности адаптивних и селективно неутралних маркера, кандидат истражује однос стохастичких и селекционих процеса у еволуцији природних популација. Резултати оваквих истраживања представљају важан индикатор популационе стабилности и адаптивног потенцијала популација, а пружају и поуздану основу за дефинисање стратегија очувања и управљања природним популацијама.

4. ПРИКАЗ НАЈЗНАЧАЈНИЈИХ РЕЗУЛТАТА

Пет најзначајнијих резултата др Миломира Стефановића који га квалификују за избор у научно звање виши научни сарадник у научној грани Биологија, научна дисциплина Генетика су:

1. Stefanović M., Veličković N., Bončina A., Potušek S., Matić I., Djan M., Bužan E. Duplication, recombination and weak selection shape evolution at the MHC class II SLA-DRB1 locus in wild boars from the western Balkans. *Mammalian Biology* 104: 539-548. 2024, DOI: 10.1007/s42991-024-00433-3
M21a (17/181 Zoology) ИФ2(2024): 2,3 (библиографија: 54)

У овом раду одређивана је генетичка варијабилност другог егзона *SLA-DRB1* гена главног комплекса хистокомпатибилности код 116 јединки дивљих свиња са територије Балкана применом секвенцирања нових генерација. Откривено је 17 функционалних алела, као и присуство дуплицираног локуса код 12 јединки. Уочено је дејство позитивне

селекције на једном кодону, као и сигнал трансспецијског полиморфизма. Резултати ове студије указују да је уочени висок диверзитет у *SLA-DRB1* локусу код дивљих свиња са територије Балкана последица неколико еволуционих механизма, укључујући балансну селекцију, рекомбинације и генске дупликације.

Кандидат је први коаутор и коресподент на овој публикацији, а доминантни допринос кандидата се огледа кроз концептуализацију самог истраживања, одабир одговарајућег методолошког приступа, учествовање у лабораторијским анализама, а потом и кроз самосталну биоинформатичку обраду података, њихово тумачење, интерпретацију и визуелизацију, а потом и кроз самостално писање рукописа рада. Доминантни допринос кандидата се може потврдити кроз преглед опис доприноса сваког коаутора у оквиру објављене публикације.

2. *Stefanović M.*, Bogdanowicz W., Adavoudi R., Martínez-Sosa F., Doan K., Flores-Manzanero A., Srinivas Y., Banea O.C., Ćirović D., D'Amico G., Djan M., Giannatos G., Hatlauf J., Hayrapetyan V., Heltai M., Homel K., Hulva P., Ionică A.M., Jhala Y.V., Juránková J., Kaboli M., Khosravi R., Kopaliani N., Kowalczyk R., Krofel M., Lanszki J., Lapini L., Lymberakis P., Männil P., Markov G., Mihalca A.D., Miliou A., Modrý D., Molchan V., Ostrowski S., Pakeltytė G., Ruņģis D.E., Šnjegota D., Szabó L., Tryfonopoulos G.A., Tsingarska E., Volokh A.M., Wójcik J.M., Pilot M. Range-wide phylogeography of the golden jackals (*Canis aureus*) reveals multiple sources of recent spatial expansion and admixture with dogs at the expansion front. *Biological Conservation* 290:110448. 2024, DOI: 10.1016/j.biocon.2024.110448
M21a (6/74 Biodiversity Conservation) ИФ2(2022): 5,9 (библиографија: 55)

У овом раду сагледана је генетичка варијабилност и филогеографија шакала са широког географског подручја, укључујући узорке са историјског ареала врсте, као и из региона у којима показује скорашњу експанзију, анализом појединачних полиморфизама нуклеотида широм генома. Резултати ове студије су указали на пут ширења шакала од Азије ка југоисточној Европи крајем Плеистоцена, док се недавно ширење шакала ка централној и северној Европи одвијало из најмање две генетички одвојене популације са југа Европе и Кавказа кроз серију колонизационих таласа. Такође, уочено је и постојање хибридизације шакала са псима у регионима у којима је ова врста у скорашњој експанзији.

Кандидат је први коаутор на овој публикацији, а доминантни допринос кандидата се огледа кроз одабир одговарајућег методолошког приступа, учествовање у лабораторијским анализама, самосталну биоинформатичку обраду података, њихово тумачење, интерпретацију и визуелизацију као и чување и депоновање података, а потом и кроз писање рукописа рада. Доминантни допринос кандидата се може потврдити кроз преглед описа доприноса сваког коаутора у оквиру објављене публикације.

3. Matić I, Veličković N, Radišić D, Milinski L, Djan M, *Stefanović M.* Genetic diversity of a recovering European roller (*Coracias garrulus*) population from Serbia. *PLoS ONE* 19(8): e0308066. 2024, DOI: 10.1371/journal.pone.0308066
M21 (30/134 Multidisciplinary Sciences) ИФ2(2022): 3,7 (библиографија: 58)

У овом раду сагледана је генетичка варијабилност, структура и филогеографија модровране са територије Србије на основу анализе нуклеотидних секвенци контролног региона митохондријске ДНК и микросателита. Резултати анализе микросателита су

указали на постојање три генетичка кластера, али без јасног просторног обрасца и са ниском генетичком диференцијацијом, док је анализа нуклеотидних секвенци контролног региона митохондријске ДНК указала на постојање две хаплогрупе, означене као европска и азијска, као и сигнал недавне демографске експанзије.

Кандидат је последњи коаутор и коресподент на овој публикацији, а доминантни допринос кандидата се огледа кроз концептуализацију истраживања, одабир методолошког приступа, учествовање у софтверским анализама молекуларних података, менторство у изради докторске дисертације првог коаутора публикације др Иване Матић, као и кроз писање основног рукописа рада. Доминантни допринос кандидата се може потврдити кроз преглед описа доприноса сваког коаутора у оквиру објављене публикације.

4. Böheim D., Knauer, F., Stefanović, M., Zink, R., Kübber-Heiss, A., Posautz, A., Beiglböck, C., Dressler, A., Strauss, V., Dier, H., Djan, M. Veličković N., Dinev Zhelev C., Smith S., Suchentrunk F. Signals of Pig Ancestry in Wild Boar, *Sus scrofa*, from Eastern Austria: Current Hybridisation or Incomplete Gene Pool Differentiation and Historical Introgressions?. *Diversity* 15(6): 790. 2023, DOI: 10.3390/d15060790 M22 (25/65 Biodiversity Conservation) ИФ2(2021): 3,031 (библиографија: 61)

У овом раду сагледан је ниво интрогресије код 375 дивљих свиња са периурбаног подручја града Беча од стране домаће свиње анализом 16 микросателитских локуса. Резултати ове студије су указали да готово све анализиране дивље свиње носе трагове интрогресије од домаће свиње, као последицу непотпуне генетичке диференцијације током процеса доместикације или историјских укрштања, док је свега 0,53% јединки показало знакове скорашње хибридизације, што је у складу са данашњим узгајивачким праксама у затвореним просторима услед чега се смањује вероватноћа за сусрет са дивљим свињама.

Кандидат је трећи коаутор на овој публикацији која броји 15 коаутора, а допринос кандидата се огледа кроз одабир дела методолошког приступа и одговарајућег софтвера за обраду молекуларних података, анализу молекуларних података, као и интерпретацију и тумачење добијених резултата. Допринос кандидата се може потврдити кроз преглед описа доприноса сваког коаутора у оквиру објављене публикације.

5. Stefanović M., Ćirović D., Bogdanović N., Knauer F., Heltai M., Szabó L., Lanszki J., Zhelev C.D., Schaschl H., Suchentrunk, F. Positive selection on the MHC class II DLA-DQA1 gene in golden jackals (*Canis aureus*) from their recent expansion range in Europe and its effect on their body mass index. *BMC Ecology and Evolution* 21(1): 1-13. 2021, DOI: 10.1186/s12862-021-01856-z M22 (24/51 Evolutionary Biology) ИФ2(2021): 3,4 (библиографија: 62)

У овом раду сагледана је генетичка варијабилност другог егзона *DLA-DQA1* гена код шакала са територије Бугарске, Србије и Мађарске. Откривена су три различита *DLA-DQA1* алела, која кодирају три различите протеинске варијанте. Резултати ове студије су такође указали на постојање деловања позитивне селекције и трансспецијског полиморзма, као и утицај просечне спољашње температуре на географску дистрибуцију уочених алела, као могућу последицу адаптација на географске варијације у дистрибуцији патогена.

Кандидат је први коаутор на овој публикацији, а доминантни допринос кандидата се огледа кроз извођење целокупног лабораторијског дела истраживања, самосталну обраду и анализу добијених молекуларних података, визуелизацију, интерпретацију резултата, као и писање основног рукописа рада. Доминантни допринос кандидата се може потврдити кроз преглед описа доприноса сваког коаутора у оквиру објављене публикације.

5. ПОКАЗАТЕЉИ УСПЕХА У НАУЧНОИСТРАЖИВАЧКОМ РАДУ

5.1. Утицајност

На основу информација доступних у бази *Scopus* на дан 17.10.2025. године укупна цитираност свих објављених радова др Миломира Стефановића износи 138 (Хиршов индекс 7), односно 117 не рачунајући аутоцитате (Хиршов индекс 6). Преглед цитираности свих радова кандидата представљен је у Прилогу 1. Имајући у виду да је кандидат на публикацијама са више од 20 аутора које се сматрају међународним публикацијама колаборационог типа остварио укупно 69 цитата од 117 приказаних цитата који не обухватају аутоцитате, укупан број цитата који се односи на ауторске радове искључујући аутоцитате износи 48.

Будући да је за избор у научно звање виши научни сарадник у области природно-математичких и медицинских наука потребно 50 цитата (без аутоцитата) у каријерном приказу, комисија констатује да др Миломир Стефановић није испунио овај услов сходно члану 27. Правилника о избору у научна звања, став 1.

5.2. Међународна научна сарадња

Др Миломир Стефановић је успешно реализовао међународну научну сарадњу кроз усавршавања у иностраним институцијама, учешће на међународним пројектима, као и кроз коауторство на научним публикацијама са ауторима из иностраних научних институција. Др Миломир Стефановић је у периоду од 15. маја 2021. године до 12. маја 2023. године боравио на постдокторском усавршавању у групи за еволуциону геномику Музеја и Института за Зоологију Пољске Академије Наука, одељење у Гдањску (Прилог 2). У току своје научне каријере др Миломир Стефановић је учествовао на четири међународна пројекта. Учествовао је на Erasmus+ пројекту „ART-REM: Curricula Development in the Fields of Reproductive Biology/Assisted Reproductive Technologies and Regenerative Medicine in Serbia“, две COST акције: G-BIKE - Genomic Biodiversity Knowledge for Resilient Ecosystems (CA18134) и GENOA - Genetic Nature Observation and Action (CA23121, представник Србије у менаџмент комитету), као и на једном Horizon Europe пројекту „WildPosh - Pan-European assessment, monitoring, and mitigation of chemical stressors on the health of wild pollinators“. У последњем изборном периоду др Миломир Стефановић је објавио девет научних радова са коауторима из иностраних научних институција (радови из библиографије наведени под редним бројевима 52, 53, 54, 55, 57, 60, 61, 62, 63).

Будући да је за избор у научно звање виши научни сарадник потребно боравити на научном усавршавању у иностранству дуже од три месеца у континуитету, као и учествовати у међународним научним пројектима током каријере, као и објавити бар два заједничка резултата категорија M21-M24 са ауторима из иностраних научних институција, Комисија констатује да је др Миломир Стефановић испунио све

предвиђене услове приказа међународне научне сарадње сходно члану 27. Правилника о избору у научна звања, став 2. Преглед доказа о испуњености услова за међународну научну сарадњу представљен је у Прилогу 2.

5.3. Руковођење пројектима и потпројектима (радним пакетима)

Др Миломир Стефановић је руководио на пројекту у оквиру научно-технолошке сарадње између Републике Србије и Републике Турске под називом „Анализа сигнала хибридације широм генома између дивље и домаће свиње са територије Балкана и Анадолије – адаптивна интрогресија и развој SNP панела за поуздану идентификацију хибрида“. Кандидат није руководио потпројектима и радним пакетима. Доказ о испуњености услова за руковођење пројектима представљен је у Прилогу 3.

Будући да се сходно члану 27. Правилника о избору у научна звања, став 3, руковођење пројектима билатералне сарадње преко Министарства сврстава у категорију VI, Комисија констатује да је др Миломир Стефановић испунио услов руковођења пројектима.

5.4. Уређивање научних публикација

др Миломир Стефановић није учествовао у уређивању научних публикација.

5.5. Предавања по позиву (осим на конференцијама)

др Миломир Стефановић није имао предавања по позиву у домаћим или иностраним институцијама у области науке, високог образовања, културе или међународним организацијама.

5.6. Рецензирање пројеката и научних резултата

др Миломир Стефановић није рецензирао научне пројекте, а у последњем изборном периоду рецензирао је два научна рада из категорије M20, један објављен у часопису *Animals* категорије M21a, и један рад објављен у *Архиву Биолошких Наука* категорије M23 (Прилог 4).

5.7. Образовање научних кадрова

др Миломир Стефановић је био ментор једне докторске дисертације одбрањене 2025. године на Природно-математичком факултету Универзитета у Новом Саду, кандидаткиње др Иване Матић под насловом „Генетички диверзитет популација модровране (*Coracias garrulus*) у Србији“. Поред тога, кандидат је као доцент за ужу научну област Генетика на Природно-математичком факултету Универзитета у Новом Саду укључен у извођење наставе на свим нивоима студија, и то, као предметни наставник на два предмета на основним академским студијама биологије на Природно-математичком факултету Универзитета у Новом Саду (Молекуларна генетика и Генетика популације), три предмета на мастер академским студијама биологије на Природно-математичком факултету Универзитета у Новом Саду (Геномика, Медицинска генетика, Виши курс популационе генетике), као и једном предмету на докторским студијама молекуларне биологије на Природно-математичком факултету Универзитета у Новом Саду (Геномске методе у генетичким анализама). Докази о

испуњености услова за образовање научних кадрова и учешће у настави представљени су у Прилогу 5.

Комисија констатује да је кандидат др Миломир Стефановић испунио услов предвиђен чланом 27., став 7 за образовање научних кадрова, будући да је ментор једне одбрањене докторске дисертације, као и да је укључен у извођење наставе на докторским, мастер и основним академским студијама.

5.8. Награде и признања

др Миломир Стефановић није добитник награда и признања које додељују релевантне међународне и националне научне институције.

5.9. Допринос развоју одговарајућег научног правца

др Миломир Стефановић нема потребне услове за испуњавање доприноса развоју одговарајућег научног правца.

6. БИБЛИОГРАФИЈА КАНДИДАТА

Целокупна библиографија кандидата у току научне каријере обухвата 86 библиографских јединица (не рачунајући докторску дисертацију), и то: четири научна рада објављена у међународним часописима категорија M21a+, три рада категорије M21a, пет радова категорије M21, седам радова категорије M22, два рада категорије M23, и по један рад категорија M24 и M51. Поред тога, кандидат је учествовао на бројним конференцијама међународног и националног значаја са 44 саопштења категорије M34 и 14 саопштења категорије M64, као и три саопштења категорије M33, и по једно саопштење категорија M32 и M63. Укупан индекс компетентности укључујући докторску дисертацију износи 241,5, односно 194,67 након корекције за број аутора. У последњем изборном периоду библиографија кандидата обухвата 36 јединица, и то 12 радова категорије M20 (1xM21a+, 3xM21a, 3xM21, 4xM22, 1xM24), један рад категорије M51, и 23 саопштења са националних и међународних скупова (22xM34, 1xM64). У наставку је дат приказ целокупне библиографије кандидата пре избора у тренутно научно звање (поглавље 5.1) и након избора у звање научног сарадника (поглавље 5.2.)

5.1. Библиографија кандидата пре избора у звање научни сарадник

Радови у водећим међународним часописима категорије M21a+ (20 бодова)

1. Chroni A., Stefanović M., Djan M., Vujić A., Šašić Zorić Lj., Kočiš Tubić N., Petanidou T. Connecting the dots: Bridging genetic and spatial differentiation of the genus *Eumerus* (Diptera: Syrphidae) in the Mediterranean Basin and Balkans. *Journal of Zoological Systematics and Evolutionary Research*, 57(4): 822-839. 2019, DOI: 10.1111/jzs.12300.
M21a+ (8/166 Zoology) ИФ2(2017): 3,286.
2. Djan M., Stefanović M., Veličković N., Lavadinović V., Paulo C. A., Suchentrunk F. Brown hares (*Lepus europaeus* Pallas, 1778) from the Balkans: a refined phylogeographic model. *Hystrix – the Italian Journal of Mammology*, 28(2): 186-193. 2017, DOI: 10.4404/hystrix-28.2-12202.
M21a+ (4/160 Zoology) ИФ2(2015): 4,333.

број бодова: 20

број бодова: 20

3. Gedeon C., Hoffmann E., Vaczi O., Knauer F., Ben Slimen H., Stefanovic M., Lehoczky E., Laborczy A., Suchentrunk F. The role of biogeographical region for allelic richness of an endangered species: the case of European ground squirrels (*Spermophilus citellus*) in central Europe. *Hystrix – the Italian Journal of Mammology*, 28(2): 231-239. 2017, DOI: 10.4404/hystrix-28.2-11823. M21a+ (4/160 Zoology) ИФ2(2015): 4,333.

број бодова: 20

Радови у водећим међународним часописима категорије M21 (8 бодова)

4. Stefanović M., Djan M., Veličković N., Beukovic D., Lavadinovic V., Zhelev C.D., Demirbas Y., Paule L., Gedeon C.I., Mamuris Z., Posautz A., Beiglbock C., Kubber-Heiss A., Suchentrunk F. Positive selection and precipitation effects on the mitochondrial NADH dehydrogenase subunit 6 gene in brown hares (*Lepus europaeus*) under a phylogeographic perspective. *PLoS ONE* 14(11):e0224902. 2019, DOI: 10.1371/journal.pone.0224902. M21 (15/64 Multidisciplinary Sciences) ИФ2(2017): 2,766..

коригован број бодова: 3,33

5. Demirbaş Y., Albayrak I., Ozkan Koca A., Stefanović M., Knauer F., Suchentrunk F. Spatial genetics of brown hares (*Lepus europaeus* Pallas, 1778) from Turkey: different gene pool architecture on either side of the Bosphorus? *Mammalian Biology*, 94: 77-85. 2019, DOI: 10.1016/j.mambio.2018.09.005. M21 (47/170 Zoology) ИФ2(2018): 1,638.

број бодова: 8

Радови у међународним часописима категорије M22 (5 бодова)

6. Šnjegota D., Stefanović M., Veličković N., Ćirović D., Djan M. Genetic characterization of grey wolves (*Canis lupus* L. 1758) from Bosnia and Herzegovina: implications for conservation. *Conservation Genetics*, 19(3): 755-760. 2018, DOI: 10.1007/s10592-017-1042-7. M22 (23/59 Biodiversity Conservation) ИФ2(2018): 2,283.

број бодова: 5

7. Djan M., Stefanović M., Veličković N., Ćosić N., Ćirović D. Mitochondrial genetic diversity and structuring of northern white-breasted hedgehogs from the Central Balkans. *Turkish Journal of Zoology*, 41: 774-782. 2017, DOI: 10.3906/zoo-1603-23. M22 (92/160 Zoology) ИФ2(2015): 0,880.

број бодова: 5

8. Stefanović M., Djan M., Veličković N., Demirbas Y., Paule L., Gedeon C.I., Posautz A., Beiglbock C., Kubber-Heiss A., Suchentrunk F. Purifying selection shaping the evolution of the Toll-like receptor 2 TIR domain in brown hares (*Lepus europaeus*) from Europe and the Middle East. *Molecular Biology Reports*, 47: 2975-2984. 2020, DOI: 10.1007/s11033-020-05382-x. M22 (217/299 Biochemistry & Molecular Biology) ИФ2(2018): 2,107.

коригован број бодова: 3,12

Радови у међународним часописима категорије M23 (3 бода)

9. Stefanović M., Karaiskou N., Veličković N., Kovačević M., Ristić Z., Djan M. Spatial genetic analysis of roe deer from the Northern Serbian Province of Vojvodina. *Genetika*, 51(3): 1127-1138. 2019, DOI: 10.2298/GENSR1903127S. M23 (169/172 Genetics & Heredity) ИФ2(2018): 0,459.

број бодова: 3

10. Đan M., Šnjegota D., Veličković N., Stefanović M., Obreht-Vidaković D., Ćirović D. Genetic variability and population structure of grey wolf (*Canis lupus*) in Serbia. Russian Journal of Genetics, 52(8): 823-829. 2016, DOI: 10.1134/S1022795416080044. M23 (157/166 Genetics & Heredity) ИФ2(2016): 0,550.

број бодова: 3

Предавање по позиву са међународног скупа штампано у изводу М32 (1,5 бодова)

11. Đan M., Veličković N., Stefanović M., Kovačević M., Matejević M., Obreht D., Ristić Z. Genetic diversity of European roe deer (*Capreolus capreolus*) populations from Serbia as inferred from mtDNA. 5th International Hunting and Game Management Symposium Debrecen, Hungary, November 10-12, p. 43, ISBN 978-615-5403-10-1, Book of abstracts and Proceedings, 2016 M32

број бодова: 1,5

Саопштење са међународног скупа штампано у целини М33 (1 бод)

12. Stefanović M., Veličković N., Ćosić N., Ćirović D., Đan M. Genetic variability of Northern white-breasted hedgehogs (*Erinaceus roumanicus*) from Serbia. 4th International Hunting and Game Management Symposium, Velenje, Slovenia, November 5-7, Balkan Journal of Wildlife Research, 3(1): 1-6, 2016 M33

број бодова: 1

13. Šnjegota D., Trbojević I., Veličković N., Stefanović M., Ćirović D., Đan M. Genetic variability and population structure of grey wolf (*Canis lupus*) from Bosnia & Herzegovina. 4th International Hunting and Game Management Symposium, Velenje, Slovenia, November 5-7, Balkan Journal of Wildlife Research, 3(1): 7-11, 2016 M33

број бодова: 1

14. Đan M., Veličković N., Obreht D., Stefanović M., Beuković M., Beuković D. (2013) Brown hares in hunting areas of Vojvodina: genetic diversity as revealed by mtDNA sequences. 2nd International Symposium on Hunting "Modern aspects of sustainable management of game population", Novi Sad, Serbia, October 17-20, p. 191-196, ISBN 978-86-7520-279-0, Proceedings, 2013 M33

број бодова: 1

Саопштење са међународног скупа штампано у изводу М34 (0,5 бодова)

15. Stefanović M., Djan M., Veličković N., Beukovic D., Lavadinovic V., Zhelev C.D., Demirbas Y., Paule L., Gedeon C.I., Mamuris Z., Posautz A., Beiglbock C., Kubber-Heiss A., Suchentrunk F. Precipitation effects on the NADH dehydrogenase subunit 6 gene in brown hares (*Lepus europaeus*) from Europe and Asia Minor. 6th Congress of the Serbian Genetic Society, Vrnjačka Banja, Serbia, October 13-17, p. 135, ISBN 978-86-87109-15-5, Book of Abstracts, 2019 M34

коригован број бодова: 0,21

16. Matić I., Stefanović M., Gorše I., Veličković N., Ćirović D., Đan M. Grey wolves in Serbia – Genetic diversity as inferred from microsatellites. 6th Congress of the Serbian Genetic Society, Vrnjačka Banja, Serbia, October 13-17, p. 156, ISBN 978-86-87109-15-5, Book of Abstracts, 2019 M34

број бодова: 0,5

17. Gorše I., Stefanović M., Matić I., Beuković D., Popović Z., Veličković N., Đan M. The genetic monitoring of brown hares (*Lepus europaeus*) from Vojvodina. 6th Congress of the Serbian Genetic Society, Vrnjačka Banja, Serbia, October 13-17, p. 161, ISBN 978-86-87109-15-5, Book of Abstracts, 2019 M34

број бодова: 0,5

18. Chroni A., Stefanović M., Djan M., Vujić A., Šašić Zorić Lj., Kočiš Tubić N., Petanidou T. A methodological framework for inferring spatial genetic patterns: the case of the genus *Eumerus* (Diptera:

Syrphidae) in the Mediterranean. 10th International Symposium on Syrphidae, Mytilene, Greece, September 8-12, p. 22-23, Programme and Book of Abstracts, 2019 M34

број бодова: 0,5

19. Veličković N., Stefanović M., Ferreira E., Matić I., Fonseca C., Djan M. Sex biased population structure of wild boars in Serbia: inferred from microsatellites and mtDNA sequences. 34th IUGB (International Union of Game Biologists) Congress, Kaunas, Lithuania, August 26-30, p. 172, Abstract Book, 2019 M34

број бодова: 0,5

20. Matić I., Stefanović M., Gorše I., Beuković D., Popović Z., Djan M., Veličković N. Brown hares in lowland hunting grounds of Serbia – microsatellites based genetic monitoring. 34th IUGB (International Union of Game Biologists) Congress, Kaunas, Lithuania, August 26-30, p. 153, Abstract Book, 2019 M34

број бодова: 0,5

21. Stefanović M., Smith S., Munimanda G., Selimović A., Heltai M., Szabo L., Lanszki J., Hatlauf J., Suchentrunk F. Exploring the ancestry of golden jackals from Hungary. 2nd International Jackal Symposium, Marathon Bay, Greece, October 31st – November 2nd, Attiki, Hellenic Zoological Archives, 9: 87, 2018 M34

коригован број бодова: 0,36

22. Stefanović M., Ćirović D., Heltai M., Szabo L., Lanszki J., Zhelev C., Suchentrunk F. Possible fitness advantage of one MHC class II DQA genotype in subadult golden jackals expanding towards central Europe. 2nd International Jackal Symposium, Marathon Bay, Greece, October 31st – November 2nd, Attiki, Hellenic Zoological Archives 9: 84, 2018 M34

број бодова: 0,5

23. Veličković N., Djan M., Stefanović M., Ferreira E., Ernst M., Fonseca C. Microsatellite variability in wild boars from Czech Republic. 12th International Symposium on Wild Boar and Other Suids, Lazne Belohrad, Czech Republic, September 4-7, p. 86, ISBN 978-80-7509-564-0, Book of Abstracts, 2018 M34

број бодова: 0,5

24. Stefanović M., Djan M., Veličković N., Knauer F., Demirbas Y., Posautz A., Kubber-Heiss A., Beiglbock C., Paule L., Gedeon C., Suchentrunk F. No signal of molecular adaptations in the NADH dehydrogenase subunit 6 gene in brown hares from Europe and Asia Minor. 6th International Wildlife and Game Management Symposium, Sofia, Bulgaria, June 13-16, p. 58, Book of Abstracts, 2018 M34

коригован број бодова: 0,28

25. Stefanović M., Veličković N., Guljaš D., Vukadinović M., Djan M. Microsatellite based genetic diversity of brown hares (*Lepus europaeus*) from hunting grounds in Vojvodina Province (Serbia). 6th International Wildlife and Game Management Symposium, Sofia, Bulgaria, June 13-16, p. 57, Book of Abstracts, 2018 M34

број бодова: 0,5

26. Veličković N., Stefanović M., Ferreira E., Fonseca C., Djan M. Wild boars in Serbia: Genetic diversity and population structure as inferred by microsatellites. 6th International Wildlife and Game Management Symposium, Sofia, Bulgaria, June 13-16, p. 56, Book of Abstracts, 2018 M34

број бодова: 0,5

27. Demirbas Y., Stefanović M., Ozkan Koca A., Suchentrunk F. Phylogeography of brown hares – closing the gap between the Balkans and Anatolia? 6th International Wildlife and Game Management Symposium, Sofia, Bulgaria, June 13-16, p. 41, Book of Abstracts, 2018 M34

број бодова: 0,5

28. Stefanović M., Veličković N., Beuković D., Beuković M., Djan M., Suchentrunk F. The impact of landscape features on population genetic structure in European brown hares (*Lepus europaeus* Pallas,

1778) from Serbia. 5th International Hunting and Game Management Symposium, Debrecen, Hungary, November 10-12, p. 57, ISBN 978-615-5403-10-1, Book of Abstracts and Proceedings, 2016 M34

број бодова: 0,5

29. Šnjegota D., Stefanović M., Veličković N., Ćirović D., Djan M. Comparative analyses of Serbian wolf population structure employing different Bayesian clustering methods. 5th International Hunting and Game Management Symposium, Debrecen, Hungary, November 10-12, p. 53, ISBN 978-615-5403-10-1, Book of Abstracts and Proceedings, 2016 M34

број бодова: 0,5

30. Demirbas Y., Ozkan Koca A., Stefanović M., Suchentrunk F. Preliminary spatial genetic analysis of wild boar (*Sus scrofa*) from Turkey based on mitochondrial control region sequences. 5th International Hunting and Game Management Symposium, Debrecen, Hungary, November 10-12, p. 57, ISBN 978-615-5403-10-1, Book of Abstracts and Proceedings, 2016 M34

број бодова: 0,5

31. Veličković N., Djan M., Ferreira E., Stefanović M., Kočiš Tubić N., Fonseca C. Genetic variability of wild boar populations in the northern Dinaric Balkans: how does it fit in European context? 11th International Symposium on Wild boars and other Suids, Mersch, Luxembourg, September 5-8, p. 50, Book of Abstracts, 2016 M34

број бодова: 0,5

32. Stefanović M., Đan M., Veličković N., Beuković D., Beuković M., Obreht D. Demographic history of European brown hares (*Lepus europaeus* Pallas, 1778) from Vojvodina inferred by mtDNA control region sequences. Third Symposium of Biologists and Ecologists of Republic of Srpska, Banja Luka, Republic of Srpska, November 12-14, p. 25, ISBN 978-99955-21-43-1, Book of Abstracts, 2015 M34

број бодова: 0,5

33. Šnjegota D., Veličković N., Trbojević I., Stefanović M., Obreht D., Ćirović D., Đan M. (2015) Microsatellite and mtDNA variability in grey wolf (*Canis lupus*) population from Bosnia & Herzegovina. Third Symposium of Biologists and Ecologists of Republic of Srpska, Banja Luka, Republic of Srpska, November 12-14, p. 28, ISBN 978-99955-21-43-1, Book of Abstracts, 2015 M34

број бодова: 0,5

34. Đan I., Vučinić N., Stefanović M., Stokić E., Obreht D., Đan M. ApoE gene polymorphism and its association with obesity. Fifth Congress of the Serbian Genetic Society, Belgrade, Serbia, September 28–October 2, p. 41, ISBN 978-86-87109-10-0, Book of Abstracts, 2014 M34

број бодова: 0,5

35. Matavulj M., Rajković V., Koledin I., Kovač R., Malo M., Stefanović M. Changes in Purkinje cells of cerebellum in acryl amide intoxicated rats. Sixth Central European Congress on Food (CEFood), Novi Sad, Serbia, May 23-26, p. 92, Book of Abstracts, 2012 M34

број бодова: 0,5

36. Matavulj M., Rajković V., Koledin I., Kovač R., Malo M., Stefanović M. Acryl amide-induced morphological changes in rat cerebellum. 13th DKMT Euroregional Conference on Integrative Medicine, Nutrition and Health, Timisoara, Romania, September 8-10, p. 51, Book of Abstracts, 2011 M34

број бодова: 0,5

Саопштење са скупа националног значаја штампано у целини М63 (1 бод)

37. Stefanović M., Veličković N., Beuković D., Beuković M., Djan M. Genetic diversity of brown hares (*Lepus europaeus*) from lowland hunting grounds in Serbia. „Wildlife Research and Management in Germany and countries of southern middle-Europe“, Masserberg-OT Heubach, Germany, April 19-20, Beiträge zur Jagd&Wild forschung, 43: 213-219, 2018 M63

број бодова: 1

Саопштење са скупа националног значаја штампано у изводу M64 (0,5)

38. Stefanović M., Smith S., Munimanda G., Selimović A., Heltai M., Szabó L., Lanszki J., Hatlauf J., Potočnik H., Suchentrunk F. Searching for the sources of immigration of golden jackals (*Canis aureus*) into Hungary. 93rd Annual Meeting of the Germany Society of Mammalogy, Dresden, Germany, September 16-19, p. 42, Book of Abstracts, 2019 M64

коригован број бодова: 0,31

39. Demirbas Y., Ozkan Koca A., Stefanovic M., Suchentrunk F. Genetic variability and differentiation in wild boar from Turkey. Abstract from the 93rd Annual Meeting of the Germany Society of Mammalogy, Dresden, Germany, September 16-19, p. 18, Book of Abstracts, 2019 M64

број бодова: 0,5

40. Suchentrunk F., Stefanović M., Ben Slimen H., Jerina K. Mitochondrial Phylogeography of Slovenian Red Deer, *Cervus elaphus*. 93rd Annual Meeting of the Germany Society of Mammalogy, Dresden, Germany, September 16-19, p. 44, Book of Abstracts, 2019 M64

број бодова: 0,5

41. Djan M., Veličković N., Matić I., Stefanović M., Ćirović D. Genetički monitoring vuka u Srbiji. Drugi kongres biologa Srbije, Kladovo, Srbija, Septembar 25-30, p. 137, ISBN 978-86-81413-08-1, Knjiga sažetaka, 2018 M64

број бодова: 0,5

42. Suchentrunk F., Stefanović M., Shariari B., Nosrati M. Shallow genetic differentiation among hares (*Lepus sp.* or *spp.*) from Iran. 92nd Annual Meeting of the Germany Society of Mammalogy, Bonn, Germany, September 17-20, p. 106, Book of Abstracts, 2018 M64

број бодова: 0,5

43. Stefanović M., Posautz A., Knauer F., Kubber-Heiss A., Beiglbock C., Suchentrunk F. MHC class II DQA homozygosity increases the stillbirth rate in brown hares from captive breeding. 92nd Annual Meeting of the Germany Society of Mammalogy, Bonn, Germany, September 17-20, p. 108, Book of Abstracts, 2018 M64

број бодова: 0,5

44. Stefanović M., Weber A., Suchentrunk F. Shallow genetic differentiation in polecats (*Mustela putorius*) from Saxony-Anhalt Province. 92nd Annual Meeting of the Germany Society of Mammalogy, Bonn, Germany, September 17-20, p. 102, Book of Abstracts, 2018 M64

број бодова: 0,5

45. Stefanović M., Weber A., Suchentrunk F. Spatial genetics for conservation of polecats (*Mustela putorius*) in central Germany. 3rd Annual Meeting in Conservation Genetics, Vienna, Austria, February 26-28, p. 75, Abstracts, 2018 M64

број бодова: 0,5

46. Stefanović M., Đan M., Veličković N., Lavadinović V., Beuković D., Alves P., Suchentrunk F. Phylogeography and past demographic processes of brown hares (*Lepus europaeus*) in Europe and the Middle East. 91st Annual Meeting of the Germany Society of Mammalogy, Greifswald, Germany, September 18-21, p. 152, Book of Abstracts, 2017 M64

број бодова: 0,5

47. Stefanović M., Eiglsperger T., Sieder S., Ćirović D., Heltai M., Szabó L., Lanszki J., Zhelev C., Zachos F., Suchentrunk F. MHC class II DQA genotypes in golden jackals (*Canis aureus*) expanding towards central Europe. 91st Annual Meeting of the Germany Society of Mammalogy, Greifswald, Germany, September 18-21, p. 154-155, Book of Abstracts, 2017 M64

коригован број бодова: 0,31.

48. Tolesa Z., Knauer F., Stefanović M., Suchentrunk F. Ambient temperature affects occurrence of mitochondrial ATP synthase 6 OXPHOS protein variants in hares (*Lepus spp.*) from Ethiopia. 91st

Annual Meeting of the Germany Society of Mammalogy, Greifswald, Germany, September 18-21, p. 156, Book of Abstracts, 2017 M64

број бодова: 0,5

49. Ali H., Mohammad Shafiq A., Stefanovic M., Iqbal S., Suchentrunk F. Spatial population genetics of desert hares in Pakistan. 90th Annual Meeting of the Germany Society of Mammalogy, Berlin, Germany, September 4-7, Mammalian Biology 81S:3, 2016 M64

број бодова: 0,5

50. Marquilly C., Stefanović M., Guitton M. Salicylate induced tinnitus triggers serotonergic dependant anxiety. Fifth Annual Canadian Neuroscience Meeting, Quebec City, Canada, May 29 – June 1, p. 231, Book of Abstracts, 2011 M64

број бодова: 0,5

Одбрањена докторска дисертација (M70)

51. Стефановић М. „Молекуларни диверзитет и генетички сигнали локалних адаптација врсте *Lepus europaeus* Pallas, 1778 у хетерогеним условима средине“, 2020, ментори др Михајла Ђан и др Франц Зухентрунк, Доктор наука – биолошке науке, Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду

5.2. Библиографија кандидата у последњем изборном периоду

Радови у водећим међународним часописима категорије M21a+ (20 бодова)

52. Pearman P., Broennimann O., Aavik T., Albayrak T., Célio Alves P., Aravanopoulos F.A., Bertola L., Biedrzycka A., Buzan E., Cubric-Curik V., Djan M., Fedorca A., Fuentes-Pardo A., Fussi B., Godoy J., Gugerli F., Hoban S., Holderegger R., Hvilson C., Iacolina L., Kalamujic Stroil B., Klinga P., Konopiński M., Kopatz A., Laikre L., Lopes-Fernandes M., McMahon BJ., Mergeay J., Neophytou C., Pálsson S., Paz-Vinas I., Posledovich D., Primmer C., Raeymaekers J., Rinkevich B., Rolečková B., Ruņģis D., Schuerz L., Segelbacher G., Kavčič Sonnenschein K., Stefanovic M., Thurfjell H., Träger S., Tsvetkov I., Velickovic N., Vergeer P., Vernesi C., Vilà C., Westergren M., Zachos F., Guisan A., Bruford M. Monitoring of species' genetic diversity in Europe varies greatly and overlooks potential climate change impacts. *Nature Ecology & Evolution* 8: 267-281. 2024, DOI: 10.1038/s41559-023-02260-0
M21a+ (1/54 Evolutionary Biology) ИФ2(2022): 16,8

коригован број бодова: 2,13

Радови у водећим међународним часописима категорије M21a (12 бодова)

53. Demirbaş Y., Soysal H., Koca A.Ö., Stefanović M., Suchentrunk F. Mitochondrial Phylogeography of Wild Boars, *Sus scrofa*, from Asia Minor: Endemic Lineages, Natural Immigration, Historical Anthropogenic Translocations, and Possible Introgression of Domestic Pigs. *Animals*, 15(13):1828. 2025, DOI: 10.3390/ani15131828
M21a (11/80 Agriculture, Dairy & Animal Science) ИФ2(2023): 3,0
54. Stefanović M., Veličković N., Bončina A., Potušek S., Matić I., Djan M., Bužan E. Duplication, recombination and weak selection shape evolution at the MHC class II SLA-DRB1 locus in wild boars from the western Balkans. *Mammalian Biology* 104: 539-548. 2024, DOI: 10.1007/s42991-024-00433-3
M21a (17/181 Zoology) ИФ2(2024): 2,3

број бодова: 12

55. Stefanović M., Bogdanowicz W., Adavoudi R., Martínez-Sosa F., Doan K., Flores-Manzanero A., Srinivas Y., Banea O.C., Ćirović D., D'Amico G., Djan M., Giannatos G., Hatlauf J., Hayrapetyan V., Heltai M., Homel K., Hulva P., Ionică A.M., Jhala Y.V., Juránková J., Kaboli M., Khosravi R., Kopaliani N., Kowalczyk R., Krofel M., Lanszki J., Lapini L., Lymberakis P., Männil P., Markov G., Mihalca A.D., Miliou A., Modrý D., Molchan V., Ostrowski S., Pakeltytė G., Ruņģis D.E., Šnjegota D., Szabó L., Tryfonopoulos G.A., Tsingarska E., Volokh A.M., Wójcik J.M., Pilot M. Range-wide phylogeography of the golden jackals (*Canis aureus*) reveals multiple sources of recent spatial expansion and admixture with dogs at the expansion front. *Biological Conservation*, 290: 110448. 2024, DOI: 10.1016/j.biocon.2024.110448
M21a (6/74 Biodiversity Conservation) ИФ2(2022): 5,9

коригован број бодова: 1,43

Радови у водећим међународним часописима категорије M21 (8 бодова)

56. Šašić Zorić L., Pal D., Stefanović M., Jović J., Janjušević Lj., Vasić M., Milosavljević T., Petreš A.S., Kalkan K., Šikoparija B. Insight into outdoor bioaerosol diversity by using high volume sampling and environmental DNA (eDNA) analysis. *Atmospheric Environment*, 121396. 2025, DOI: 10.1016/j.atmosenv.2025.121396.
M21 (26/110 Meteorology & Atmospheric Sciences) ИФ2(2023): 4,2

коригован број бодова: 5

57. Demirbaş Y., Alsaç A., Knauer F., Stefanović M., Suchentrunk, F. Information theoretical modeling of epigenetic dental character variation in hares (*Lepus europaeus*) from Türkiye: microphylogeographic or climatic effects?. *Mammal Research*, 70: 205-218. 2025, DOI: 10.1007/s13364-025-00785-2
M21 (53/181 Zoology) ИФ2(2024): 1,6

број бодова: 8

58. Matić I., Veličković N., Radišić D., Milinski L., Djan M., Stefanović M. Genetic diversity of a recovering European roller (*Coracias garrulus*) population from Serbia. *PLoS ONE* 19(8): e0308066. 2024, DOI: 10.1371/journal.pone.0308066.
M21 (30/134 Multidisciplinary Sciences) ИФ2(2022): 3,7

број бодова: 8

Радови у међународним часописима категорије M22 (5 бодова)

59. Numanović M., Živković M., Stefanović M., Veličković N., Matić I., Miljanović B. DNA barcoding and new record of *Arcynopteryx dichroa* (McLachlan, 1872) (Plecoptera: Perlodidae) from Serbia. *Aquatic Insects*, 46(1), 71–79 . 2024, DOI: 10.1080/01650424.2024.2400196
M22 (77/108 Entomology) ИФ2(2022): 0,8

број бодова: 5

60. Demirbaş Y., Koca A. Ö., Stefanović M., Smith S., Suchentrunk F. Disentangling population genetic and climatic effects on skull size and shape of brown hares, *Lepus europaeus* (Lagomorpha: Leporidae), from Türkiye. *Zoologischer Anzeiger*, 307: 18-27. 2023, DOI: 10.1016/j.jcz.2023.08.003
M22 (84/176 Zoology) ИФ2(2021): 1,581

број бодова: 5

61. Böheim, D., Knauer, F., Stefanović, M., Zink, R., Kübber-Heiss, A., Posautz, A., Beiglböck, C., Dressler, A., Strauss, V., Dier, H., Djan, M. Veličković N., Dinev Zhelev C., Smith S., Suchentrunk F. Signals of Pig Ancestry in Wild Boar, *Sus scrofa*, from Eastern Austria: Current Hybridisation or Incomplete Gene Pool Differentiation and Historical Introgressions?. *Diversity*, 15(6): 790. 2023, DOI: 10.3390/d15060790
M22 (25/65 Biodiversity Conservation) ИФ2(2021): 3,031

коригован број бодова: 1,92

62. Stefanović M., Ćirović D., Bogdanović N., Knauer F., Heltai M., Szabó L., Lanszki J., Zhelev C.D., Schaschl H., Suchentrunk, F. Positive selection on the MHC class II DLA-DQA1 gene in golden jackals

(*Canis aureus*) from their recent expansion range in Europe and its effect on their body mass index. BMC Ecology and Evolution, 21(1): 1-13. 2021, DOI: 10.1186/s12862-021-01856-z
M22 (24/51 Evolutionary Biology) ИФ2(2021): 3,4

коригован број бодова: 3,12

Радови у водећим националним часописима категорије М24 (2 бода)

63. Böheim D., Veličković N., Djan M., Stefanović M., Žikić D., Suchentrunk, F. Pig-Typical Gene Pool Characteristics in Wild Boars from Vojvodina, Serbia: A Study of Genetic Diversity, Differentiation, Assignment, and Admixture. Contemporary Agriculture, 72(4): 207-215. 2023, DOI: 10.2478/contagri-2023-0028

број бодова: 2

Саопштење са међународног скупа штампано у изводу М34 (0,5 бодова)

64. Suchentrunk F., Zhelev C., Smith S., Markov G., Damyanov D., Ahmed A., Munimanda G., Stefanović M. Genetic variability and spatial genetic models of red deer in Bulgaria. A century of forest knowledge – education, innovations, challenges (CENFORKNOW 2025), Sofia, Bulgaria, May 8-9, p. 122, ISBN 978-954-332-205-3, Book of Abstracts, 2025, <https://cenforknow2025.ltu.bg/wp-content/uploads/2025/05/CENFORKNOW2025-Book-of-Abstracts-final.pdf> M34

коригован број бодова: 0,42

65. Damyanov D., Zhelev C., Smith S., Zhelev P., Stefanović M., Doneva R., Suchentrunk F. 2025. Preliminary modeling of spatial genetic variation of Bulgarian wild boars and their levels of introgression by East Balkan Pigs. A century of forest knowledge – education, innovations, challenges (CENFORKNOW 2025), Sofia, Bulgaria, May 8-9, p. 121, ISBN 978-954-332-205-3, Book of Abstracts, 2025, <https://cenforknow2025.ltu.bg/wp-content/uploads/2025/05/CENFORKNOW2025-Book-of-Abstracts-final.pdf> M34

број бодова: 0,5

66. Matić I., Veličković N., Radišić D., Milinski L., Djan M., Stefanović M. Genetic variability and population structure of European roller (*Coracias garrulus*) from Serbia. 7th Congress of the Serbian Genetic Society, Zlatibor, Serbia, October 2-5, p. 31, ISBN 978-86-87109-18-6, Book of Abstracts, 2024 M34

број бодова: 0,5

67. Đan M., Gorše I., Lazić C., Kočiš Tubić N., Stefanović M. 2024. eDNA metabarcoding of flowers. 7th Congress of the Serbian Genetic Society, Zlatibor, Serbia, October 2-5, p. 32, ISBN 978-86-87109-18-6, Book of Abstracts, 2024 M34

број бодова: 0,5

68. Lazić C., Stefanović M., Milić S., Vasin J., Đan M. 2024. Soil invertebrate diversity survey: the choice of eDNA metabarcoding primers. 7th Congress of the Serbian Genetic Society, Zlatibor, Serbia, October 2-5, p. 34, ISBN 978-86-87109-18-6, Book of Abstracts, 2024 M34

број бодова: 0,5

69. Šnjegota D., Rigaud L., Matić I., Đan M., Ćirović D., Stefanović M. 2024. Hybridisation of the *Canis* genus in Bosnia and Herzegovina. 7th Congress of the Serbian Genetic Society, Zlatibor, Serbia, October 2-5, p. 35, ISBN 978-86-87109-18-6, Book of Abstracts, 2024 M34

број бодова: 0,5

70. Stefanović M., Jović J., Janjušević Lj., Šašić Zorić Lj. 2024. Shotgun metagenomic analysis of water microbial communities at sewage discharge point in Danube river, Novi Sad, Serbia. 7th Congress of the Serbian Genetic Society, Zlatibor, Serbia, October 2-5, p. 42, ISBN 978-86-87109-18-6, Book of Abstracts, 2024 M34

број бодова: 0,5

71. Vasiljević R., Stefanović M., Mirčeta J., Baštovanović G., Đan M. 2024. Mitochondrial DNA sequence variability in wild boars from the Northern Serbian province of Vojvodina. 7th Congress of the Serbian Genetic Society, Zlatibor, Serbia, October 2-5, p. 45, ISBN 978-86-87109-18-6, Book of Abstracts, 2024 M34

број бодова: 0,5

72. Heuertz M., Garnier-Géré P., Galindo J., Galbusera P., Godoy J., Vilà C., Winter S., Budde K., Aavik T., Kachamakova M., Bužan E., Vernesi C., Bertola L., Stefanović M., Zachos F., Hvilsom C., Biedrzycka A., Šnjegota D., Gargiulo R., Buiteveld J., Russo I-R., Quinzin M., Kalamujić Stroil B., Rolečková B., Tsvetkov I., Primmer C., Burger P., Albayrak T., Pálsson S., Vergeer P., Träger S., Pilot M., Barth J., Fernandes Lopes M. Supporting practitioners in the management of hybridization for the conservation and sustainable use of (genetic) biodiversity. XX International Botanical Congress, Madrid, Spain, July 21-27, Madrid, Spain, p. 583-584, 2024 M34

коригован број бодова: 0,08

73. Boheim D., Veličković N., Djan M., Stefanović M., Suchentrunk F. Preliminary analysis of pig-typical gene pool characteristics in free-ranging wild boar from Serbia. International symposium on animal sciences, Novi Sad, Serbia, September 18-20, p. 12, ISBN 978-86-7520-593-7, Book of Abstracts, 2023 M34

број бодова: 0,5

74. Stefanović M., Suchentrunk F., Djan M. 2023. Utility of adaptive markers in brown hare management and genetic monitoring. International symposium on animal sciences, Novi Sad, Serbia, September 18-20, p. 43, ISBN 978-86-7520-593-7, Book of Abstracts, 2023 M34

број бодова: 0,5

75. Demirbas Y., Stefanović M., Ozkan Koca A., Suchentrunk F. 2023. Brown hares from Turkish Thrace and northwest Anatolia: testing for gene exchange during the last glacial maximum. International symposium on animal sciences, Novi Sad, Serbia, September 18-20, p. 51, ISBN 978-86-7520-593-7, Book of Abstracts, 2023 M34

број бодова: 0,5

76. Suchentrunk F., Smith S., Damyanov D., Dinev Zhelev C., Stoyanov Zhelev P., Stefanović M. 2023. Genetic diversity and pig-typical gene pool characteristics in Bulgarian wild boars and their effects on trophy quality. International symposium on animal sciences, Novi Sad, Serbia, September 18-20, p. 65, ISBN 978-86-7520-593-7, Book of Abstracts, 2023 M34

број бодова: 0,5

77. Pilot M., Adavoudi R., Bogdanowicz W., Doan K., Flores A., Martinez Sosa F., Moura A., Stefanovic M. 2023. Causes and consequences of hybridization between representatives of the genus *Canis*. 13th International Mammalogical Congress, Anchorage, Alaska, July 14-20, p. 105, Book of Abstracts, 2023 M34

коригован број бодова: 0,42

78. Šašić Zorić Lj., Veselić S., Stefanović M., Stahls G., Djan M., Vujić A. 16S rRNA gene sequence based Wolbachia screening in *Merodon* hoverflies. Barcelonnette, France, September 5-10, p. 105, Programme and Abstracts, 2022 M34

број бодова: 0,5

79. Stefanović M., Djan M., Beukovic D., Demirbas Y., Paule L., Gedeon C.I., Posautz A., Beiglbock C., Kubber-Heiss A., Suchentrunk F. 2022. Positive selection and climate effects on the MHC-DQA and MHC-DQB genes in brown hares (*Lepus europaeus*) from Europe and the Middle East. 6th World Lagomorph Conference, Montpellier, France, July 4-8, p. 124, Abstract Book, 2022, <https://lagomorph2022.sciencesconf.org/data/pages/Abstracts.posters.WLC6.pdf> M34

коригован број бодова: 0,31

80. Šašić Zorić Lj, Stefanović M., Stahls G., Veselic S., Djan M., Vujić A., 2022. Multilocus DNA barcoding in pollinators – case study on *Merodon* hoverflies. International Conference on DNA Barcoding and Biodiversity, Sofia, Bulgaria, May 25-27, p. 26-27, Book of Abstracts, 2022 M34
број бодова: 0,5
81. Janošev M., Đurđić I., Stefanović M. Positive selection on the mitochondrial nadh dehydrogenase subunit 6 gene in hares (*Lepus spp.*). International Bioscience Conference and the 8th International PSU – UNS Bioscience Conference, Novi Sad, Serbia, November 25-26, Book of Abstracts, 2021 M34
број бодова: 0,5
82. Matić I., Stefanović M., Djan M., Ćirović D. Genetic monitoring of grey wolves in Serbia. 11th Baltic Theriological Conference, Kaunas, Lithuania, January 25-27, p. 53, ISBN 978-609-454-510-8, Abstract Book, 2021, <https://btc.vdu.lt/wp-content/uploads/2021/02/ABSTRACT-BOOK-BTC-2021.pdf> M34
број бодова: 0,5
83. Gorše I., Stefanović M., Radenković S., Vujić A., Đan M. Potential of indels within ITS2 region for resolving taxonomic problems in *Merodon ruficornis* species group (Diptera: Syrphidae). Fourth Symposium of Biologists and Ecologists of Republic of Srpska, Banja Luka, Republic of Srpska, November 12-14, p. 77, ISBN 978-99955-21-86-8, Book of Abstracts, 2020, https://pmf.unibl.org/wp-content/uploads/2020/11/zbornik_SBERS2020.pdf M34
број бодова: 0,5
84. Matić I., Stefanović M., Đan M., Velaja L., Radišić D., Veličković N. Sequence variability in the mitochondrial DNA control region of the European roller (*Coracias garrulus*) from Serbia. Fourth Symposium of Biologists and Ecologists of Republic of Srpska, Banja Luka, Republic of Srpska, November 12-14, p. 80, ISBN 978-99955-21-86-8, Book of Abstracts, 2020, https://pmf.unibl.org/wp-content/uploads/2020/11/zbornik_SBERS2020.pdf M34
број бодова: 0,5
85. Trivunović S., Glamočić D., Štrbac Lj., Šaran M., Veličković N., Stefanović M. Comparison of conventional and genomic estimated breeding values in Holstein bulls from Serbia. 71st Annual Meeting of the European Federation of Animal Science, virtual meeting, December 1-4, p. 379, ISBN 978-90-8686-349-5, Book of Abstracts, 2020, https://docs.eaap.org/boa/2020_EAAP_Book_of_Abstracts.pdf M34
број бодова: 0,5

Радови у водећим националним часописима категорије M51 (2 бода)

86. Lazić C., Stefanović M., Kočiš Tubić N., Kuzmanović A., Radnović D., Tamindzija D., Milić S., Vasin J., Ninkov J., Djan M. Insight into invertebrate community in solonchak soil type using eDNA metabarcoding - a pilot study. Contemporary Agriculture, 73(3-4):200-206. 2024, DOI: 10.2478/contagri-2024-0024 M51
коригован број бодова: 1,25

Саопштење са скупа националног значаја штампано у изводу M64 (0,5 бодова)

87. Doan K., Adavoudi R., Bogdanowicz W., Bykova E., Ćirović D., Djan M., Giannatos G., Kaboli M., Khosravi R., Kopalani N., Kowalczyk R., Männil P., Miliou A., Šnjegota D., Stefanović M., Wójcik J., Pilot M. 2023. Origin and demographic history of the golden jackal (*Canis aureus*). 9th Polish Evolutionary Conference, Krakow, Poland, September 18-20, p. 86-87, Book of Abstracts, 2020 M64
коригован број бодова: 0,17

7. КВАНТИФИКАЦИЈА НАУЧНИХ РЕЗУЛТАТА КАНДИДАТА

У оцењиваном периоду (након избора у звање научни сарадник), библиографија др Миломира Стефановића обухвата 36 јединица са укупним индексом компетентности од 115,5, односно 77,25 након корекције бодова на основу броја аутора. Преглед научне продукције кандидата у оцењиваном периоду приказан је у Табели 1.

Табела 1. Квантитативни показатељи научног доприноса др Миломира Стефановића након избора у звање научни сарадник

Врста резултата	Вредност резултата	Укупан број резултата (укупан број резултата који подлежу нормирању)	Укупан број бодова (укупан број бодова након нормирања)
M21a+	20	1 (1)	20 (2,13)
M21a	12	3 (1)	36 (25,43)
M21	8	3 (1)	24 (21)
M22	5	4 (2)	20 (15,04)
M24	2	1 (0)	2 (2)
M34	0.5	22 (4)	11 (10,23)
M51	2	1 (1)	2 (1,25)
M64	0.5	1 (1)	0,5 (0,17)
УКУПНО		36 (11)	115,5 (77,25)

Поређење са минималним квантитативним условима за избор у тражено научно звање

Диференцијални услов за оцењивани период за избор у научно звање: виши научни сарадник	Неопходно	Остварени нормирани број бодова
Укупно	50	77,25
Обавезни: M11 + M12 + M21 + M22 + M23 + M91 + M92 + M93	35	63,6

Поређењем остварених бодова у оцењиваном периоду са минималним квантитативним условима за избор у звање вишег научног сарадника, а у складу са Прилогом 3 Правилника о стицању истраживачких и научних звања („Службени гласник РС“, бр. 80/2024-17, 70/2025-36), Комисија констатује да је др Миломир Стефановић испунио све квантитативне услове за избор у звање вишег научног сарадника. Наиме, у оцењиваном периоду др Миломир Стефановић је остварио укупно 77,25 бодова након нормирања за број аутора, односно 63,6 обавезних бодова (из категорије M11 + M12 + M21 + M22 + M23 + M91 + M92 + M93).

8. ЗАКЉУЧАК И ПРЕДЛОГ КОМИСИЈЕ

На основу увида у приложену документацију и анализе досадашњег научно-истраживачког рада кандидата, Комисија констатује да **др Миломир Стефановић испуњава све квантитативне и квалитативне услове неопходне за стицање звања виши научни сарадник**. Кандидат др Миломир Стефановић је у периоду након избора у научно звање научни сарадник објавио 12 радова категорије M20, и остварио **63,6** обавезних бодова, односно **77,25** укупних бодова, чиме је испунио минималне квантитативне услове предвиђене Правилником о избору у научна звања. Др Миломир Стефановић се успешно бави научно-истраживачким радом, што поред објављених радова показује и активна међународна научна сарадња, учествовање у домаћим и међународним пројектима и конференцијама, континуирано усавршавање, као и образовање млађих научних кадрова. У погледу квалитативних услова, прописаних Прилогом 3 важећег Правилника, за избор у звање виши научни сарадник неопходно је испуњење најмање три услова са збирне листе А и Б, при чему је кандидат др Миломир Стефановић испунио четири услова (међународна научна сарадња, менторски рад, руковођење пројектима, учешће у настави).

На основу свега наведеног Комисија предлаже Научном већу Департмана за биологију и екологију Природно-математичког факултета Универзитета у Новом Саду да се кандидат

ДР МИЛОМИР СТЕФАНОВИЋ

изабере у звање **ВИШИ НАУЧНИ САРАДНИК** за научну област **ПРИРОДНО-МАТЕМАТИЧКЕ НАУКЕ**, грана науке **БИОЛОГИЈА**, научна дисциплина **ГЕНЕТИКА**.

У Новом Саду, 12.11.2025.

Чланови комисије

др Михајла Ђан

редовни професор

Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду
председник

др Јелена Пураћ

редовни професор

Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду,
члан

др Љиљана Шашић Зорић

виши научни сарадник

Институт Биосенс – Истраживачко-развојни институт за информационе технологије биосистема,
Универзитет у Новом Саду
члан